

**Lista akredytowanych działań prowadzonych w ramach zakresu elastycznego
wydanie 14, z dnia 21.10.2024 r.**

Przedmiot badań/wyrób	Rodzaj działalności/badane cechy/metoda	Dokumenty odniesienia
Materiał pochodzenia ludzkiego	<p>1. Identyfikacja rodzaju śladu biologicznego. Cechy swoiste materiału biologicznego. Metoda: Immunochromatograficzna, biochemiczna, genetyczna.</p> <p>2. Indywidualizacja śladów biologicznych. Analiza DNA w zakresie polimorficznych układów typu STR. locus amelogeniny i autosomalnych loci STR: D3S1358, D1S1656, D2S441, D10S1248, D13S317, D16S539, D18S51, D2S1338, CSF1PO, TH01, vWA, D21S11, D7S820, D5S818, TPOX, D8S1179, D12S391, D19S433, FGA, D22S1045, Penta D, Penta E, SE33, Y indel loci chromosomu Y-STR: DYS576, DYS389I, DYS448, DYS389II, DYS19, DYS391, DYS481, DYS549, DYS533, DYS438, DYS437, DYS570, DYS635, DYS390, DYS439, DYS392, DYS643, DYS393, DYS458, DYS385, DYS456, Y GATA H4, loci chromosomu X-STR: DXS10103, DXS8378, DX7132, DXS10134, DXS10074, DX10101, DXS10135, DXS7423, DXS10146, DXS10079, HPRTB, DXS10148 Metoda: Multipleks PCR z elektroforezą kapilarną.</p> <p>3. Analiza pokrewieństwa. Analiza polimorfizmu z wykorzystaniem układu STR. D3S1358, D1S1656, D2S441, D10S1248, D13S317, D16S539, D18S51, D2S1338, CSF1PO, TH01, vWA, D21S11, D7S820, D5S818, TPOX, D8S1179, D12S391, D19S433, FGA, D22S1045, Penta D, Penta E, SE33, loci chromosomu Y-STR: DYS576, DYS389I, DYS448, DYS389II, DYS19, DYS391, DYS481, DYS549, DYS533, DYS438, DYS437, DYS570, DYS635, DYS390, DYS439, DYS392, DYS643, DYS393, DYS458, DYS385, DYS456, Y GATA H4, loci chromosomu X-STR: DXS10103, DXS8378, DX7132, DXS10134, DXS10074, DX10101, DXS10135, DXS7423, DXS10146, DXS10079, HPRTB, DXS10148 Metoda: Multipleks PCR z elektroforezą kapilarną.</p>	PB-1 wydanie 12 z dnia 21.10.2024
Materiał biologiczny pochodzenia ludzkiego: krew, ślina, wymaz z policzka, mocz, płyn mózgowo-rdzeniowy, wymaz z nosogardzieli	<p>1. Obecność wirusów, bakterii, grzybów i pierwotniaków</p> <ul style="list-style-type: none"> - ADV - HCMV - HCV - HBV - EBV - HHV6 - parwovirus B19 - HIV - HSV I - HSV II - HPV - HPV typy: 6, 11, 16, 18, 31, 33, 35, 39, 42, 43, 44, 45, 51, 52, 56, 58, 59, 66, 68 - <i>Chlamydia trachomatis</i> - <i>Mycoplasma genitalium</i> 	PB-4 wydanie 5 z dnia 11.04.2020

	<ul style="list-style-type: none"> - <i>Ureaplasma parvum</i> - <i>Ureaplasma urealyticum</i> - <i>Neisseria gonorrhoeae</i> - <i>Borrelia burgdorferi</i> - <i>Borrelia afzelii</i> - <i>Borrelia garinii</i> - <i>Trichomonas vaginalis</i> - <i>Candida albicans</i> - <i>Candida glabrata</i> - <i>Candida krusei</i> - <i>Toxoplasma gondii</i> - SARS-CoV-2 <p>Metoda: Real Time PCR</p> <p>2. Liczba kopii sekwencji materiału genetycznego:</p> <ul style="list-style-type: none"> - ADV - HSV I - HSV II - HCMV - HCV - HBV - EBV - HHV6 - parwovirus B19 <p>Zakres: (1-10000) (kopii/ul)</p> <p>Metoda: Real Time PCR</p>	
--	--	--

**INSTYTUT GENETYKI SĄDOWEJ
W BYDGOSZCZY**

mgr. Monika Antczak
Kierownik Systemu Zarządzania

Opracował: kierownik systemu zarządzania (data, podpis)

**INSTYTUT GENETYKI SĄDOWEJ
W BYDGOSZCZY**

dr n. med. Jakub Czarny
Kierownik Laboratorium

Zatwierdził: kierownik laboratorium (data, podpis)